

Responsabili Scientifici

Alberta Azzi, Università degli Studi, Firenze

Alessandra Carattoli, Istituto Superiore di Sanità, Roma

Carlo Mancini, Università La Sapienza, Roma

Paolo Visca, Università Roma Tre, Roma

Segreteria Scientifica



AMCLI

Associazione Microbiologi Clinici Italiani
Via C. Farini, 81 - 20159 Milano
Tel. 02/66801190
Fax 02/69001248
segreteriaAMCLI@amcli.it

Informazioni Generali

SEDE DEL CORSO

Dipartimento di Biologia, Università Roma Tre,
Viale Guglielmo Marconi 446, 00146 Roma

MODALITÀ DI PARTECIPAZIONE

La partecipazione al Corso è limitata ad un massimo di **30 partecipanti**.

E' possibile iscriversi al Corso tramite l'apposita funzione on-line al sito www.mzcongressi.com.

E' sufficiente cliccare sulla sezione "Eventi" e dopo aver selezionato l'evento di interesse, registrarsi cliccando sul pulsante "Iscrizione on-line".

Seguendo le indicazioni si potranno effettuare l'iscrizione e il relativo pagamento, con carta di credito o bonifico.

Le iscrizioni verranno automaticamente accettate in ordine di arrivo, sino ad esaurimento dei posti disponibili.

Non saranno accettate iscrizioni senza il relativo pagamento.

Per qualsiasi ulteriore informazione contattare la Segreteria Organizzativa MZ Congressi.

QUOTE DI ISCRIZIONE

MEDICI/BIOLOGI SOCI AMCLI	€ 360,00 (300,00+IVA 20%)
MEDICI/BIOLOGI NON SOCI	€ 400,00 (334,00+IVA 20%)
TSLB SOCI AMCLI	€ 180,00 (150,00+IVA 20%)
TSLB NON SOCI	€ 220,00 (184,00+IVA 20%)
VETERINARI	€ 175,00 (146,00+IVA 20%)

ATTESTATO DI PARTECIPAZIONE ED ECM

Al termine del Corso verrà rilasciato un attestato di partecipazione. Gli attestati validi ai fini ECM verranno spediti successivamente.

I crediti ECM per questo Corso sono stati richiesti al Ministero della Salute per le categorie professionali:

- Medico (disciplina: Microbiologia e Virologia)
- Biologo
- Tecnico Sanitario di Laboratorio Biomedico
- Veterinario

Per avere diritto ai crediti ECM è obbligatorio frequentare il 100% delle ore di formazione.



Amcli - Sezione COSBIO

LA TIPIZZAZIONE EPIDEMIOLOGICA DI BATTERI PATOGENI: NUOVE TECNICHE MOLECOLARI PER UN LINGUAGGIO COMUNE



MZ CONGRESSI SRL

Member of the MZ International Group (Milano,
Torino, Barcelona, London)
Società unipersonale soggetta a direzione e
coordinamento da parte di MZ International Group srl
Via C. Farini, 81, 20159 Milano
Tel. 02/66802323 Fax 02/6686699
sonia.benkunskaita@mzcongressi.com



26 e 27 giugno

2008

R O M A

Presentazione del Corso

La tipizzazione ha un ruolo fondamentale nella moderna epidemiologia delle infezioni batteriche, con importanti ricadute sulla gestione del sistema sanitario.

La biologia molecolare oggi offre la possibilità di rispondere in tempi rapidi a quesiti essenziali a tracciare l'epidemiologia di specie e ceppi batterici di rilevanza medica. Tuttavia, la molteplicità delle metodiche di tipizzazione oggi disponibili può rendere difficoltosa la definizione del metodo "ad hoc", richiedendo approfondimenti per una corretta scelta ed una utile applicazione.

Il corso è diretto agli operatori sanitari ed ai ricercatori che operano nel controllo delle infezioni nosocomiali e comunitarie, per una corretta impostazione di metodologie e tecniche che trovino espressione in un linguaggio comune ed essenziale allo scambio d'informazioni nel caso di eventi epidemici e nell'identificazione genotipica degli "alert organisms". Allo stato attuale, questi aspetti rivestono un'importanza fondamentale nella gestione del controllo delle infezioni, in particolare per quanto riguarda la condivisione del linguaggio e la standardizzazione delle metodiche.

Nel suo articolato, il corso fornirà ai partecipanti conoscenze sui fondamenti scientifici, i metodi correnti e le manualità necessarie per la tipizzazione batterica attraverso moderne procedure molecolari basate sull'analisi di frammenti di DNA (pulsotipizzazione ed analisi delle VNTR) e di sequenze geniche (MLST). Saranno descritte le nuove tecniche per l'analisi del microbioma batterico in comunità complesse (DGGE e sequenziamento) e le prospettive di caratterizzazione globale del genoma di singoli ceppi attraverso il sequenziamento completo con tecniche "high-throughput" (pirosequenziamento), utili ai fini della corretta comprensione dei meccanismi di antibiotico-resistenza. La parte teorica è programmata nella prima parte della mattina per attivare l'interesse degli studenti verso la soluzione di problemi concettuali e metodologici.

Per rendere il corso più interessante e stimolante, la successiva attività di laboratorio sarà impostata su casi che riproducono problemi e situazioni reali ("problem-based learning") e comporterà un impegno pratico dei partecipanti.

Programma

09.00-09.15 Benvenuto ai partecipanti - Registrazione
A. Azzi

Parte I - GIOVEDÌ 26 GIUGNO 2008

Moderatore: M. Zerbini

09.15-09.45 Introduzione al corso e descrizione degli obiettivi formativi
P. Ravanini

09.45-10.15 Il concetto genetico di specie, clone e ceppo nei batteri
P. Visca

10.15-10.45 La tipizzazione molecolare: dall'analisi dei frammenti al sequenziamento genico
P. Visca

10.45-11.15 *Multilocus Sequence Typing (MLST)*
C. Dalmastrì

11.15-12.15 Analisi delle *Variable Nucleotide Tandem repeats (VNTR)*
S. D'Arezzo, F. Lista

12.15-13.15 Colazione di Lavoro

13.15-17.00 Laboratorio didattico su MLST e PCR preparativa per analisi VNTR
C. Dalmastrì, S. D'Arezzo, A. Giordano, F. Imperi, F. Tiburzi

Parte II - VENERDÌ 27 GIUGNO 2008

Moderatore: V. Ghisetti

09.30-10.00 Il profilo di antibiotico-resistenza: dal fenotipo alla marcatura genetica
A. Carattoli

10.00-10.30 La pulsotipizzazione e la rete PulseNet
I. Luzzi

10.30-11.00 Risoluzione di specie in comunità batteriche complesse (il microbioma): la *Denaturing Gradient Gel Electrophoresis*
F. Imperi

11.00-11.30 Problemi di standardizzazione
M. Crovatto

11.30-12.00 Dal frammento di DNA al genoma completo: una prospettiva genomica della tipizzazione
A. Carattoli

12.00-13.00 Colazione di Lavoro

13.00-16.45 Laboratorio didattico su analisi delle VNTR e pulsotipizzazione ed analisi DGGE
S. D'Arezzo, A.M. Dionisi, F. Imperi, F. Tiburzi

16.45-17.00 Conclusioni e questionario ECM
C. Mancini

Relatori e Moderatori

Azzi Alberta

Dipartimento di Sanità Pubblica, Università degli Studi, Firenze

Carattoli Alessandra

Dipartimento di Malattie Infettive, Parassitarie e Immunomediate, Istituto Superiore di Sanità, Roma

Crovatto Marina

SSD di Biologia Molecolare, A.O. "Santa Maria degli Angeli", Pordenone

D'Arezzo Silvia

Istituto Nazionale per le Malattie Infettive "Lazzaro Spallanzani", Roma

Dalmastrì Claudia

ENEA, Ente per le nuove Tecnologie, l'Energia e l'Ambiente, C.R. Casaccia - Dipartimento Biotecnologie, Agroindustria e Protezione della Salute, Roma

Dionisi Anna Maria

Dipartimento di Malattie Infettive, Parassitarie e Immunomediate, Istituto Superiore di Sanità, Roma

Ghisetti Valeria

Dipartimento di Patologia Clinica
ASO San Giovanni Battista di Torino

Ospedale Molinette
Giordano Alessandra

Dipartimento di Sanità Pubblica, Università di Roma la Sapienza

Imperi Francesco

Dipartimento di Biologia, Università Roma Tre, Roma

Lista Florigio

Centro Studi e Ricerche di Sanità e Veterinaria, Roma

Luzzi Ida

Dipartimento di Malattie Infettive, Parassitarie e Immunomediate, Istituto Superiore di Sanità, Roma

Mancini Carlo

Dipartimento di Sanità Pubblica, Università di Roma la Sapienza

Ravanini Paolo

Laboratorio di Microbiologia e Virologia dell'Azienda Ospedaliera "Maggiore della Carità" di Novara

Tiburzi Federica

Dipartimento di Biologia, Università Roma Tre, Roma

Visca Paolo

Dipartimento di Biologia, Università Roma Tre, Roma
Sezione Microbiologica, Dipartimento di Medicina Clinica Specialistica e Sperimentale, Università degli Studi, Bologna

Zerbini Maria Luisa